

2007-2017



Hospital Universitario La Paz
Hospital de Cantoblanco
Hospital Carlos III
Comunidad de Madrid

IdiPAZ
Instituto de Investigación
Hospital Universitario La Paz

ciberer



INGEMM

1.- CURSO DE MICROARRAYS EN GENÉTICA MÉDICA

Fecha: ~~8-12 DE MAYO DE 2017~~ postpuesto 12-16 junio

Lugar: INGEMM



Objetivo del curso: Dirigido a personal médico y sanitario e investigadores en áreas aplicadas en la salud con el objeto de:

- Introducción al uso de microarrays (de CGH y SNPs) en genética médica como herramienta diagnóstica en el ámbito prenatal y postnatal.
- Introducción al manejo de bases de datos y programas de análisis.
- Introducción a la clasificación e interpretación de CNVs (copy number variations).
- Pautas para la elaboración de un informe de microarrays en el ámbito clínico.

Directores del Curso: Dres. María de los Ángeles Mori, María Palomares, Pablo Lapunzina y Julián Nevado

Contacto y Preinscripción: jnevado@salud.madrid.org (hasta 1 Junio de 2017) con breve CV.

Modalidades: existen 2 modalidades de participación en el curso: **Módulo-1:** curso teórico-práctico (PLAZAS LIMITADAS; hasta 16 plazas); duración: 4 días completos **Módulo-2:** curso teórico (análisis; hasta 60 plazas); duración: 2,5 días. Se requiere aportar ordenador portátil. Pendiente de acreditación.

Nota: i) los alumnos que asistan al módulo-1 tendrán la posibilidad de aportar un ADN* de su elección para realizar el estudio mediante arrayCGH (KaryoArray® 60K), analizar y obtener sus propios resultados. ii) la admisión en el curso se realizará por estricta confirmación de pago.iii)*mínima cantidad requerida 2 microgramos de ADN a una concentración de 100 ng/microl (que serán enviados al INGEMM antes del inicio del curso).

Coste: Módulo completo teórico-práctico: 450 euros; Módulo teórico (Análisis): 350 euros.

Forma de Pago: Mediante transferencia bancaria a favor de la FIBHULP (Fundación para la investigación biomédica del hospital Universitario de la Paz) por el importe del módulo seleccionado entre 2 y 8 de Junio de 2017. Se debe hacer constar el módulo seleccionado, así como el nombre del participante.

TEMARIO: Bloque 1: Introducción del curso y de los microarrays: Técnicas de análisis genético; Síndromes de microdelección/microduplicación; ¿Qué es un array de CGH y un array de SNPs? Fundamento teórico. Ventajas y limitaciones; Indicaciones principales de los arrays (DI y MC postnatal, prenatal); Consentimiento informado; Diseños comerciales y personalizados; Copy Number Variants; Clasificación e interpretación. Validación; Introducción a las bases de datos para interpretación de resultados (UCSC genome browser, DECIPHER, CLinGen).

Bloque 2: Análisis e interpretación de datos de arrays de CGH y de SNPs: Softwares para el análisis de arrays-CGH y de SNPs; Análisis e interpretación de casos postnatales; Análisis e interpretación de casos prenatales.; Análisis e interpretación de casos oncohematológicos.; Identificación de mosaicos; Análisis e interpretación de casos con LOH, UPD mediante arrays de SNPs; Hallazgos incidentales. CNVs de susceptibilidad; Elaboración del informe.

Personal docente: Dres. María de los Ángeles Mori, Isabel Vallcorba, María Palomares, Julián Nevado y Pablo Lapunzina.

Personal de prácticas: Carolina Peña, Pilar Barruz y Héctor González-Pecellín.